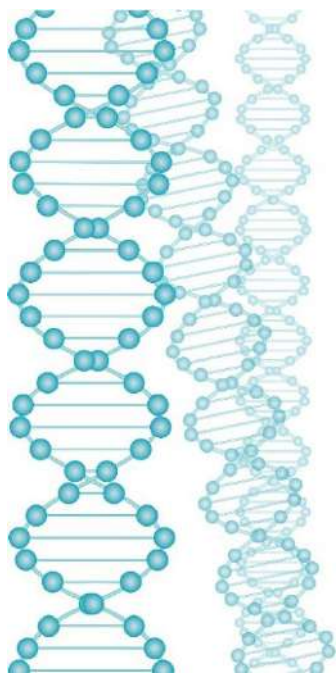


次世代シーケンス 解析サービス



この冬お勧めの NGS解析サービス ご紹介

ご自身で2次解析をすることが難しい方向けの
お手頃なデータ解析サービス(一部)もご用意

RNA-seq

内容：NovaSeqX、150PE、ライブラリ調製・シーケンス(6G/検体)

■ストランド非特異的 **¥19,900**/検体

※納品1回あたり、納品費用¥25,000(税抜)を頂戴します
※記載の価格は20検体以上ご依頼いただいた場合の費用です

■ストランド特異的 **¥21,900**/検体

●オプション：データ解析(DEG、GO等)
¥5,000/検体

16S rRNAアンプリコンシーケンス

内容：NovaSeqX、150PE、ライブラリ調製・シーケンス、データ解析込み

■0.2Mリード **¥8,900**/検体

※納品1回あたり、納品費用¥25,000(税抜)を頂戴します

■0.4Mリード **¥9,980**/検体

※記載の価格は24検体以上ご依頼いただいた場合の費用です

PacBio 全ゲノムシーケンス

内容：PacBio Revio、ライブラリ調製・シーケンス(120G/検体)

■シーケンスまで **¥498,000**/検体

※納品1回あたり、納品費用¥25,000(税抜)を頂戴します

※取得データ量は目安であり、サンプルによって異なります

PacBio 全長RNA-seq

内容：PacBio Revio、ライブラリ調製・シーケンス

■0.5Mリード **¥210,000**/検体

※納品1回あたり、納品費用¥25,000(税抜)を頂戴します
※記載の価格は2検体以上ご依頼いただいた場合の費用です

■1.0Mリード **¥325,000**/検体

※取得データ量は目安であり、サンプルによって異なります

データ解析の一例は裏面をご参考ください

対象期間：2026年3月6日 サンプル受領分まで

※本サービスは2026年3月末納品をお約束するものではありません

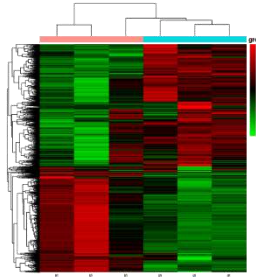
データ解析プランには以下の内容が含まれます

(一例を記載しております)

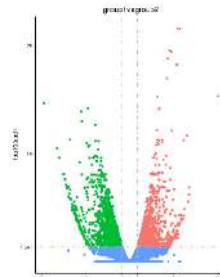
RNA-seq

遺伝子発現解析(DEG)のほか、Gene Ontology(GO)解析、クラスタリング解析などのデータをお届けします。サンプル間、群間において網羅的な遺伝子解析を実施し、結果(表や図)を納品します。

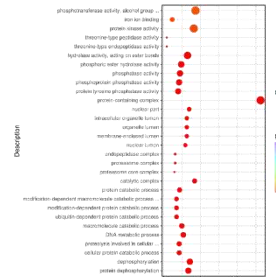
- ・リファレンスゲノムへのマッピング
- ・遺伝子発現量の算出
- ・発現変動比較(DEG)
- ・クラスタリング、ヒートマップ作図
- ・Gene Ontology(GO)解析
- ・ベン図作成 など



クラスタリング



ボルケーノプロット



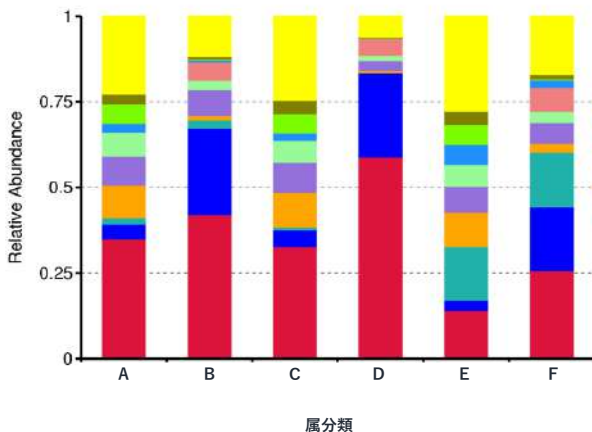
Gene Ontology(GO)解析

●更に追加(有償)で

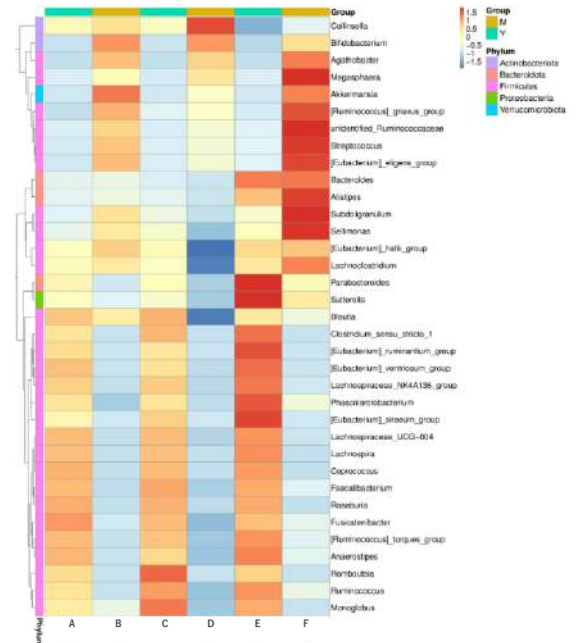
- ・新規遺伝子の検出
- ・遺伝子変異解析(SNP検出) も可能です(対応する生物種は限られます)

16S rRNAアンプリコンシーケンス

シーケンス結果をデータベースと照合し、含まれる微生物を同定します。また下図のように種の多様性や個体群の構造比較が可能で、作図データが含まれます。



属分類



クラスタリング

～DNA・RNA抽出(オプション)もお任せ下さい!～

長年培った核酸抽出技術・知見を活用!! サンプルや解析内容に合わせた手法を選択し、お客様にあった核酸抽出サービスをご提案いたします。

- 実績サンプル : 血液、唾液、糞便、生体組織、細胞、植物、昆虫、etc...
- サンプルチェック方法 : 吸光度法、蛍光法、電気泳動(鎖長、分解度確認) ※チェックが必要と判断した項目のみ実施します
- 臨床検体の受け入れも可能です(諸条件ございます)

※記載の価格に消費税は含まれません。
 ※本サービスは医療用ではなく、研究用に限定して販売しております。いかなる場合にも人体や各種診断・治療、薬機法の適用される範囲内の研究用途、並びに治験データ取得を目的とした用途に使用しないでください。
 ※ご提供・ご指示いただくサンプル並びに解析結果から生じる工業所有権、安全性の問題等については、一切の責任を負いません。